

MICROFLORA NESPECIFICĂ A TRACTULUI RESPIRATOR SUPERIOR LA PACIENȚII CU TUBERCULOZĂ

Daniel Vitalie Creciun

(Conducător științific: Daniela Cojocari, asist. univ., Catedra de microbiologie, virusologie și imunologie)

Introducere. Având în vedere că morbiditatea în caz de TB continuă să crească, există un interes crescut pentru cercetarea factorilor cauzali în progresia, persistența și reparația acestei boli.

Scopul lucrării. Aprecierea importanței microflorei nespecifice a tractului respirator superior la pacienții cu TB.

Material și metode. Din bazele de date PubMed, Medline, MedScape, au fost selectate 42 articole după cuvintele cheie „*tuberculosis in children*”, „*nonspecific microflora in tuberculosis*”, „*upper respiratory tract pathogens*”, ce abordează grupele principale de bacterii ale tractului respirator în TB și implicațiile acestora în fenomenele patofiziologice și tratamentul bolii.

Rezultate. Microflora respiratorie superioară, inferioară și intestinală nespecifică este reprezentată de *Stenotrophomonas*, *Cupriavidus*, *Pseudomonas*, *Thermus*, *Sphingomonas*, *Methylobacterium*, *Diaphorobacter*, *Comamonas* și *Mobilicoccus*. S-a constatat că microflora nespecifică creează un fundal favorabil pentru *M.Tuberculosis*, astfel pentru un rezultat mai rapid și durabil este necesar tratamentul ținut atât împotriva microflorei atipice cât și a agentului cauzal al tuberculozei.

Concluzii. (1) Explorarea acestui tip de microfloră oferă posibilitatea ameliorării tacticii de tratament în tuberculoză și prezintă un viitor în reabilitarea pe termen lung a pacienților.

Cuvinte cheie: TB la copii, microflora respiratorie nespecifică.

NONSPECIFIC HIGHER RESPIRATORY TRACT MICROFLORA IN PATIENTS WITH TUBERCULOSIS

Daniel Vitalie Creciun

(Scientific adviser: Daniela Cojocari, assist. prof., Chair of microbiology, virusiology and immunology)

Introduction. TB morbidity continues to increase, there is an increased interest in the research of causal factors in the progression, persistence and recurrence of this disease.

Objective of the study. To assess the importance of non-specific upper respiratory tract microflora in patients with TB.

Material and methods. From the PubMed, Medline, MedScape databases, 42 articles were selected by the keywords "tuberculosis in children", "non-specific microflora in tuberculosis", "upper respiratory tract pathogens", which refers to the main groups of respiratory tract bacteria in TB and their implications in pathophysiological phenomena and treatment of the disease.

Results. Non-specific upper, lower respiratory and intestinal microflora is represented by: *Stenotrophomonas*, *Cupriavidus*, *Pseudomonas*, *Thermus*, *Sphingomonas*, *Methylobacterium*, *Diaphorobacter*, *Comamonas* and *Mobilicoccus*. It has been elucidated that the non-specific microflora creates a favorable background for *M. tuberculosis*, so for a more rapid and sustained outcome it is necessary to treat both atypical microflora and the causative agent of tuberculosis.

Conclusions. (1) Exploring this type of microflora offers the opportunity to improve treatment tactics in tuberculosis and presents a future in long-term rehabilitation of the patients.

Key words: TB in children, non-specific respiratory microflora.